

Procedura selettiva 2019RUB12 - Allegato n. 2 per l'assunzione di n.1 posto di ricercatore a tempo determinato, presso il Dipartimento di Medicina Animale, Produzioni e Salute (MAPS) per il settore concorsuale 07/H3 – MALATTIE INFETTIVE E PARASSITARIE DEGLI ANIMALI (profilo: settore scientifico disciplinare VET/05 – MALATTIE INFETTIVE DEGLI ANIMALI DOMESTICI) ai sensi dell'art. 24 comma 3 lettera b) della Legge 30 dicembre 2010, n. 240. Bandita con Decreto Rettorale n. 2047 del 11 giugno 2019, con avviso pubblicato nella G.U. n.49 del 21 giugno 2019, IV serie speciale – Concorsi ed Esami

Allegato E) al Verbale n. 4

PUNTEGGI DEI TITOLI E DELLE PUBBLICAZIONI e GIUDIZI SULLA PROVA ORALE

Candidato **FRANZO GIOVANNI**

Titoli

titolo 1 - Dottorato di ricerca (**punti 5**)

titolo 2 - attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero (**punti 2**)

titolo 3 - documentata attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri (**punti 3**)

titolo 4 – organizzazione, direzione e coordinamento di gruppi di ricerca nazionali e internazionali, o partecipazione agli stessi (**punti 8**)

titolo 5 – titolarità di brevetti relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista (**punti 1**)

titolo 6 – relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali per attività pertinenti al SSD (**punti 6**)

titolo 7 – premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca (**punti 1**)

titolo 8 – diploma di specializzazione europea riconosciuto da Board internazionali, relativamente a quei settori concorsuali nei quali è prevista (**punti 0**)

titolo 9 – titoli di cui all'art. 24 comma 3 lettera a) e b) della legge 30 dicembre 2010, n. 240 (**punti 0**)

Punteggio totale titoli - **26**



Pubblicazioni presentate

		Citazioni (max 0,5)	Collocazione editoriale	Primo o ultimo nome (1 punto) 2° nome (0,3)	Pertinenza al SSD
	Titolo				
1	A sensitive, reproducible, and economic real-time reverse transcription PCR detecting avian metapneumovirus subtypes A and B	0,20	0,7	1,0	0,2
2	A wild circulation: High presence of Porcine circovirus 3 in different mammalian wild hosts and ticks	0,10	0,7	1,0	0,2
3	Canine parvovirus type 2 (CPV-2) and Feline panleukopenia virus (FPV) codon bias analysis reveals a progressive adaptation to the new niche after the host jump	0,35	0,7	1,0	0,2
4	Continued use of IBV 793B vaccine needs reassessment after its withdrawal led to the genotype's disappearance	0,50	0,7	1,0	0,2
5	Effect of different vaccination strategies on IBV QX population dynamics and clinical outbreaks	0,50	0,7	1,0	0,2
6	Exploratory metagenomic analyses of periweaning failure-to-thrive syndrome-affected pigs	0,05	0,7	1,0	0,2
7	First Report of Avian Metapneumovirus Subtype B Field Strain in a Romanian Broiler Flock during an Outbreak of Respiratory Disease	0,15	0,7	1,0	0,2
8	First report of wild boar susceptibility to Porcine circovirus type 3: High prevalence in the Colli Euganei Regional Park (Italy) in the absence of clinical signs	0,50	0,7	1,0	0,2
9	Full-genome sequencing of porcine circovirus 3 field strains from Denmark, Italy and Spain demonstrates a high within-Europe genetic heterogeneity	0,50	0,7	1,0	0,2

EC

AM

10	Genetic characterisation of Porcine circovirus type 2 (PCV2) strains from feral pigs in the Brazilian Pantanal: An opportunity to reconstruct the history of PCV2 evolution	0,50	0,7	1,0	0,2
11	GI-16 lineage (624/I or Q1), there and back again: The history of one of the major threats for poultry farming of our era	0,05	0,7	1,0	0,2
12	International trades, local spread and viral evolution: The case of porcine circovirus type 2 (PCV2) strains heterogeneity in Italy	0,50	0,7	1,0	0,2
13	Molecular investigation of a full-length genome of a Q1-like IBV strain isolated in Italy in 2013	0,40	0,4	1,0	0,2
14	Observation of high recombination occurrence of Porcine Reproductive and Respiratory Syndrome Virus in field condition	0,40	0,7	1,0	0,2
15	Phylogenetic analysis of porcine circovirus type 2 reveals global waves of emerging genotypes and the circulation of recombinant forms	0,50	0,7	1,0	0,2
16	Phylogenetic analysis of porcine reproductive and respiratory syndrome virus (PRRSV) in Italy: Action of selective pressures and interactions between different clades	0,20	0,7	1,0	0,2
17	Porcine circovirus 2 (PCV-2) genotype update and proposal of a new genotyping methodology	0,25	0,7	1,0	0,2
18	Porcine circovirus type 2 (PCV2) evolution before and after the vaccination introduction: A large scale epidemiological study	0,50	0,7	1,0	0,2
19	Subpopulations in aMPV vaccines are unlikely to be the only cause of reversion to virulence	0,20	0,7	1,0	0,2
20	The analysis of genome composition and codon bias reveals distinctive patterns between avian and mammalian circoviruses which suggest a potential recombinant origin for Porcine circovirus 3	0,250	0,7	1,0	0,2
21	Think globally, act locally: Phylogenetic reconstruction of infectious bronchitis virus (IBV) QX	0,350	0,7	1,0	0,2

	genotype (GI-19 lineage) reveals different population dynamics and spreading patterns when evaluated on different epidemiological scales				
22	Revisiting the taxonomical classification of Porcine Circovirus type 2 (PCV2): Still a real challenge	0,500	0,4	1,0	0,2
23	Development and validation of direct PCR and quantitative PCR assays for the rapid, sensitive, and economical detection of porcine circovirus 3	0,400	0,7	1,0	0,2
24	Porcine circovirus 2 (PCV-2) genetic variability under natural infection scenario reveals a complex network of viral quasispecies	0,200	0,7	0,3	0,2
25	Infectious bronchitis virus gel vaccination: evaluation of Mass-like (B-48) and 793/B-like (1/96) vaccine kinetics after combined administration at 1 day of age	0,000	0,7	0,3	0,2
26	Molecular insight into Italian canine parvovirus heterogeneity and comparison with the worldwide scenario	0,150	0,7	0,3	0,2
27	Retrospective detection of Porcine circovirus 3 (PCV-3) in pig serum samples from Spain	0,450	0,7	0,3	0,2
28	Evaluation of 793/B-like and Mass-like vaccine strain kinetics in experimental and field conditions by real-Time RT-PCR quantification	0,100	0,7	0,3	0,2
29	Genome sequence analysis of a distinctive Italian infectious bursal disease virus	0,150	0,7	0,3	0,2
30	Molecular epidemiology of infectious bronchitis virus and avian metapneumovirus in Greece.	0,000	0,7	0,3	0,2
	Totale	8,9	20,4	25,1	6
	Punteggio attribuito	8,9	20	25	6

L'Impact Factor medio è 2,955 e pertanto il punteggio attribuito è 6.

Punteggio totale pubblicazioni – 65,9

Punteggio totale 91,9

Punteggio TITOLI	26,0
Punteggio PUBBLICAZIONI	65,9
TOTALE	91,9

Giudizio sulla prova orale: *conoscenza della lingua inglese molto buona*
Candidato **FUSARO ALICE**

Titoli

titolo 1 - Dottorato di ricerca (**punti 5**)

titolo 2 - attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero (**punti 0**)

titolo 3 - documentata attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri (**punti 3**)

titolo 4 – organizzazione, direzione e coordinamento di gruppi di ricerca nazionali e internazionali, o partecipazione agli stessi (**punti 7**)

titolo 5 – titolarità di brevetti relativamente ai settori concorsuali nei quali è prevista (**punti 0**)

titolo 6 – relatore a congressi e convegni nazionali e internazionali per attività pertinenti al SSD (**punti 6**)

titolo 7 – premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca (**punti 0,5**)

titolo 8 – diploma di specializzazione europea riconosciuto da Board internazionali, relativamente a quei settori concorsuali nei quali è prevista (**punti 0**)

titolo 9 – titoli di cui all'art. 24 comma 3 lettera a) e b) della legge 30 dicembre 2010, n. 240 (**punti 0**)

Punteggio totale titoli – **21,5**

Pubblicazioni presentate

N.	Titolo	Citazioni (max 0,5)	Collocazione editoriale	Primo o ultimo nome (1 punto) 2° nome (0,3)	Pertinenza al SSD
1	Introduction into Nigeria of a Distinct Genotype of Avian Influenza Virus (H5N1)	0,50	0,7	1	0,2
2	Evidence of infection by H5N2 highly pathogenic avian influenza viruses in healthy wild waterfowl	0,50	0,7	0	0,2
3	Co-circulation of two sublineages of HPAI H5N1 virus in the Kingdom of Saudi Arabia with unique molecular signatures suggesting separate introductions into the commercial poultry and falconry sectors	0,50	0,7	0,3	0,2
4	H5N1 Virus Evolution in Europe-An Updated Overview	0,50	0	0,3	0,2

5	Highly Pathogenic Avian Influenza Virus Subtype H5N1 in Africa: A Comprehensive Phylogenetic Analysis and Molecular Characterization of Isolates	0,50	0,7	0	0,2
6	Emergence of a new genetic lineage of Newcastle disease virus in West and Central Africa- Implications for diagnosis and control	0,50	0,7	0,3	0,2
7	Gene segment reassortment between Eurasian and American clades of avian influenza virus in Italy	0,40	0,7	1	0,2
8	Evolutionary Dynamics of Multiple Sublineages of H5N1 Influenza Viruses in Nigeria from 2006 to 2008	0,50	0,7	1	0,2
9	Evidence for differing evolutionary dynamics of A/H5N1 viruses among countries applying or not applying avian influenza vaccination in poultry	0,50	0,7	0,3	0,2
10	Phylogeography and Evolutionary History of Reassortant H9N2 Viruses with Potential Human Health Implications	0,50	0,7	1	0,2
11	A distinct CDV genotype causing a major epidemic in Alpine wildlife	0,50	0,7	0,3	0,2
12	Molecular epidemiology and evolutionary dynamics of betanodavirus in southern Europe	0,50	0,7	0,3	0,2
13	Lethal nephrotropism of an H10N1 avian influenza virus stands out as an atypical pathotype	0,50	0,7	0,3	0,2
14	Molecular evolution of H9N2 avian influenza viruses in Israel	0,50	0,4	0,3	0,2
15	Evolutionary trajectories of two distinct avian influenza epidemics: Parallelisms and divergences	0,35	0,7	1	0,2
16	Molecular Evolution and Phylogeography of Co-circulating IHNV and VHSV in Italy	0,50	0,7	0,3	0,2
17	Circulation of multiple genotypes of H1N2 viruses in a swine farm in Italy over a two-month period	0,00	0,7	1	0,2

18	Spillback transmission of European H1N1 avian-like swine influenza viruses to turkeys: A strain-dependent possibility?	0,15	0,7	0,3	0,2
19	Characterization of Newcastle disease virus isolates obtained from outbreak cases in commercial chickens and wild pigeons in Ethiopia	0,35	0,7	0,3	0,2
20	Unexpected Interfarm Transmission Dynamics during a Highly Pathogenic Avian Influenza Epidemic	0,30	0,7	1	0,2
21	Poultry vaccination directed evolution of H9N2 low pathogenicity avian influenza viruses in Korea	0,50	0,7	0,3	0,2
22	Genetically Different Highly Pathogenic Avian Influenza A(H5N1) Viruses in West Africa, 2015	0,45	0,7	0,3	0,2
23	S1 gene-based phylogeny of infectious bronchitis virus: An attempt to harmonize virus classification	0,50	0,7	0	0,2
24	Genetic Diversity of Highly Pathogenic Avian Influenza A(H5N8/H5N5) Viruses in Italy, 2016-17	0,50	0,7	1	0,2
25	Vaccine immune pressure influences viral population complexity of avian influenza virus during infection	0,05	0,7	0,3	0,2
26	Comparison of 2016-17 and Previous Epizootics of Highly Pathogenic Avian Influenza H5 Guangdong Lineage in Europe	0,05	0,7	0	0,2
27	Integration of genetic and epidemiological data to infer H5N8 HPAI virus transmission dynamics during the 2016-2017 epidemic in Italy	0,05	0,7	0,3	0,2
28	Updated unified phylogenetic classification system and revised nomenclature for Newcastle disease virus.	0,15	0,7	0	0,2

29	Global origins of African highly pathogenic avian influenza H5Nx viruses and intracontinental spread	0,00	0,7	0	0,2
Totale		10,8	19,3	12,5	5,8
Punteggio attribuito		9	19,3	12,5	5,8

L'Impact Factor medio è 4,107 e pertanto il punteggio attribuito è 8.

Punteggio totale pubblicazioni - 54,6

Tesi di Dottorato - 1,0

Punteggio totale - 76,3

Punteggio TITOLI	21,5
Punteggio PUBBLICAZIONI	54,6
Punteggio Tesi di Dottorato	1,0
TOTALE	77,1

Giudizio sulla prova orale: *conoscenza della lingua inglese molto buona*

La commissione individua quale candidato vincitore FRANZO GIOVANNI per le seguenti motivazioni

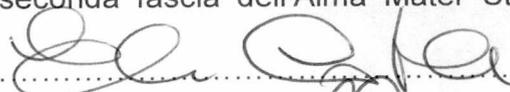
Il dott. Franco Giovanni ha riportato un punteggio globalmente più elevato.

Per quel che riguarda la valutazione dei titoli, il dott. Franco ha ottenuto un punteggio più elevato relativamente all'attività didattica a livello universitario. Per quanto riguarda la produzione scientifica, il dott. Franco ha ottenuto un punteggio più elevato in relazione al contributo personale nelle pubblicazioni prodotte in collaborazione, come si evince dalla posizione del candidato dalla lista degli autori che risulta nella maggior parte delle pubblicazioni primo autore (23/30).

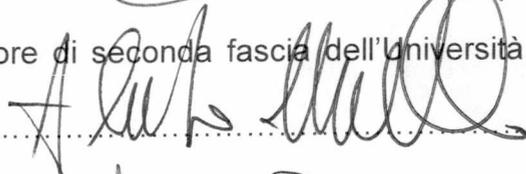
Legnaro, 10 ottobre 2019

LA COMMISSIONE

Prof.ssa CATELLI Elena, professoressa di seconda fascia dell'Alma Mater Studiorum, Università di Bologna

..... 

Prof. MANNELLI Alessandro, professore di seconda fascia dell'Università degli Studi di Torino

..... 

Prof. PIETROBELLI Mario, professore di prima fascia dell'Università degli Studi di Padova

..... 